3ème Journée de Rencontres en Protéomique à Angers

« Les techniques innovantes en Protéomique »

Mardi 20 janvier 2009
Amphithéâtre du Centre Régional de Lutte Contre le Cancer Paul Papin
2 rue Moll, Angers

PROGRAMME

Accueil à partir de 9h

9h30-10h10 : Jean Armengaud (CEA-Marcoule, DSV-iBEB-SBTN-LBSP, Bagnols sur Cèze)
« Aladin, le Sahara, et les contes des milles et une protéines »

10h10-10h50 : Christophe Flahaut (Centre d'Analyse Protéomique de l'Artois, Université d'Artois, Lens)
Phenotype de barrière hémato-encéphalique et protéomique différentielle

10h50-11h10 : PAUSE

11h10-11h50 : Anthony Bourreau (CRLCC Paul Papin, INSERM U892, Angers)
Analyse protéomique quantitative par marquage iTRAQ des protéines de tumeurs colorectales en fonction du statut de l'oncogène K-ras

11h50-12h30 : Wilfrid Boireau (Plateforme CLIPP Institut FEMTO-ST UMR6174 du CNRS, Besançon)
Pateforme d'analyse "BIA-MS sur puce" pour le dosage et l'identification de protéines d'intérêt.

12h30-14h : REPAS AU CRLCC PAUL PAPIN

14h-14h40 : Alain Brunelle (Laboratoire de Spectrométrie de Masse, ICSN, CNRS, Gif sur Yvette)
"Vers une lipidomique *in situ* avec l'imagerie micrométrique par spectrométrie de masse"

14h40-15h20 : François Guillonneau (Plateforme Protéomique Université Paris Descartes, Paris)
Enrichissement des phosphopeptides par chromatographie TiO_2 suivi de l'analyse par Maldi-Tof-Tof MS

15h20-15h40 : PAUSE

15h40-16h20 : Hélène Rogniaux (INRA UR1268 BIA, Nantes)
"La spectrométrie de masse : un outil puissant pour caractériser les protéines et les polysaccharides dans les plantes ou leurs produits transformés, au service de la biologie, de la technologie et de la nutrition."

16h20-16h50 : Philippe Bogard (Nonlinear Dynamics)
"Handling the challenges of LC-MS Data Analysis –A Novel Approach"

Clôture à 17h